

МИНИСТЕРСТВО ОБРАЗОВАНИЯ РЕСПУБЛИКИ БЕЛАРУСЬ
БЕЛОРУССКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
БИОЛОГИЧЕСКИЙ ФАКУЛЬТЕТ
Кафедра зоологии

Аннотация к дипломной работе

ШАПАБАЕВА
Адина Аскаровна

ГЕНЕТИЧЕСКОЕ РАЗНООБРАЗИЕ ПОПУЛЯЦИИ
ОБЫКНОВЕННОГО ПЕРЕПЕЛА *COTURNIX COTURNIX*
НА ТЕРРИТОРИИ БЕЛАРУСИ

Научный руководитель:
доктор биологических наук,
профессор С.В. Буга

Допущен к защите
«___» _____ 2023 г.
Зав. кафедрой зоологии
доктор биологических наук, профессор

_____ С.В. Буга

Минск, 2023

РЕФЕРАТ

Дипломная работа 38 с., 3 рис., 5 табл., 46 источника.

Ключевые слова: обыкновенный перепел, гибридизация, скрещивание, ДНК, цитохром б.

Объект исследования: обыкновенный перепел.

Цель: изучить генетическое разнообразие перепела обыкновенного на территории Беларуси и определить наличие и частоту встречаемости гибридных особей в популяции.

Методы исследования: зоологические (отбор и фиксация биологического материала), молекулярно-генетические (выделение ДНК, ПЦР), статистические (сравнительный анализ секвенированных нуклеотидных последовательностей).

Актуальность темы: обыкновенный перепел является наиболее распространенным представителем рода и характеризуется наличием большого числа подвидов и контактов с другими представителями *Coturnix*, что связано с перекрытием ареала распространения обыкновенного перепела с некоторыми другими представителями рода. Ввиду возможной гибридизации между европейским и другими подвидами или видами, в частности, японским перепелом, во многих странах существует серьезная проблема поддержания генетической чистоты у некоторых видов *Coturnix*, связанная с выпуском на волю домашних перепелов в пределах ареала обыкновенного, что обуславливает необходимость исследований по оценке внутривидового разнообразия у обыкновенных перепелов.

РЭФЕРАТ

Дыпломная праца с. 38., 3 мал., 5 табл., 46 крыніца.

Ключавыя словы: звычайны перапёлка, гібрыдызацыя, скрыжаванне, ДНК, цытахром b

Аб'ект даследавання: звычайны перапёлка

Мэта: вывучыць генетычную разнастайнасць перапёлкі звычайнай на тэрыторыі Беларусі і вызначыць наяўнасць і частату сустракаемасці гібрыдных асобін у папуляцыі.

Метады даследавання: заалагічныя (адбор і фіксацыя біялагічнага матэрыялу), малекулярна-генетычныя (вылучэнне ДНК, ПЦР), статыстычныя (параўнальны аналіз секвенаваных нуклеатыдных паслядоўнасцяў).

Актуальнасць тэмы: Звычайны перапёлак з'яўляецца найболей распаўсюджаным прадстаўніком роду і характарызуецца наяўнасцю вялікай колькасці падвідаў і кантактаў з іншымі прадстаўнікамі *Coturnix*, што звязана з перакрыццём арэала распаўсюджвання звычайнага перапёлкі з некаторымі іншымі прадстаўнікамі роду. З прычыны магчымай гібрыдызацыі паміж еўрапейскім і іншымі падвідамі ці відамі, у прыватнасці, японскім перапёлкай, у многіх краінах існуе сур'ёзная праблема падтрымання генетычнай чысціні ў некаторых відаў *Coturnix*, звязаная з выпускам на волю хатніх перапёлкаў у межа арэала звычайнага, што абумоўлівае неабходнасць даследаванняў па ацэнцы унутрывідавых. разнастайнасці ў звычайных перапёлкаў.

ABSTRACT

Graduate work 38 p., 3 fig., 5 tables, 46 sources.

Keywords: common quail, hybridization, crossing, DNA, cytochrome b.

Object of study: common quail.

Purpose: to study the genetic diversity of common quail on the territory of Belarus and to determine the presence and frequency of occurrence of hybrid individuals in the population.

Research methods: zoological (selection and fixation of biological material), molecular genetic (DNA isolation, PCR), statistical (comparative analysis of sequenced nucleotide sequences).

Issues: the common quail is the most common representative of the genus and is characterized by the presence of a large number of subspecies and contacts with other representatives of *Coturnix*, which is associated with the overlapping of the distribution range of the common quail with some other representatives of the genus. In view of the possible hybridization between European and other subspecies or species, in particular the Japanese quail, in many countries there is a serious problem of maintaining genetic purity in some species of *Coturnix* associated with the release of domestic quails within the range of the common quail, which necessitates studies to assess the intraspecific diversity in common quails.