

ванных сортов QTL устойчивости был обнаружен у сортов Заславское и Чаравница, что коррелирует с данными, полученными при искусственном заражении растений.

ГЕНЕТИЧЕСКАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА БЕЛОРУССКИХ ШТАММОВ *ERWINIA AMYLOVORA*

И.В. Кудина, Е.И. Загдай, Ю.Н. Горовик, А.Л. Лагоненко,
А.Н. Евтушенков

Белорусский государственный университет, г. Минск, Беларусь
lagonenkoal@mail.ru

Бактериальный ожог, заболевание растений, вызываемое бактерией *Erwinia amylovora*, приводит к серьезным потерям урожаев в яблоневых и грушевых садах по всему миру. В Беларуси бактериальный ожог был выявлен в 2007 году в садах Мядельского и Узденского районов Минской области. В последующие годы вспышки или единичные случаи заболевания были обнаружены на территории Брестской и Гродненской областей. Несколько штаммов *E. amylovora* были выделены в чистую культуру и была осуществлена их генетическая характеристика.

Все исследованные белорусские изоляты *E. amylovora* содержали плазмиду pEA29 с пятью восьминуклеотидными повторами АТТАСАГА. Штаммы *E. amylovora* из Беларуси, Польши, Великобритании и Германии формировали идентичные геномные фингерпринты на основании гер-PCR. В целом, с праймерами к ERIC и BOX последовательностям амплифицировалось девять фрагментов ДНК, с REP-праймерами – семь.

Следующий этап исследований был посвящен ПЦР-риботипированию бактерий *E. amylovora*. На основании полученных фингерпринтов белорусские штаммы *E. amylovora*, а также штаммы из Польши, Германии и Великобритании были отнесены к третьему риботипу.

Для RAPD-анализа исследуемых штаммов были использованы 16 праймеров, дававших в ходе амплификации ДНК *E. amylovora* от 1 до 10 фрагментов ДНК. Различия были выявлены только между RAPD паттернами, полученными с праймерами C4, C5, C6 и C16. Генетические дистанции между изученными штаммами варьировали от 0,028 до 0,125.