

**МИНИСТЕРСТВО ОБРАЗОВАНИЯ РЕСПУБЛИКИ БЕЛАРУСЬ
БЕЛОРУССКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ УНИВЕРСИТЕТ
БИОЛОГИЧЕСКИЙ ФАКУЛЬТЕТ
Кафедра микробиологии**

**НАСЫР
Вероника**

**ЗНАЧЕНИЕ ВИРУСА ПАПИЛЛОМЫ ЧЕЛОВЕКА ВЫСОКОГО
КАНЦЕРОГЕННОГО РИСКА У ЖЕНЩИН С ВОСПАЛИТЕЛЬНЫМИ
ЗАБОЛЕВАНИЯМИ ШЕЙКИ МАТКИ**

**Аннотация к
дипломной работе**

**Научный руководитель:
кандидат биологических наук,
Л.В. Рубаник**

Минск, 2018

АННОТАЦИЯ

Объекты исследования: вирусы папилломы человека высокого канцерогенного риска, вирусы семейства *Herpesviridae*, бактерии семейства *Mycoplasmataceae*, *Trichomonas vaginalis*, *Chlamydia trachomatis*, выделенные из образцов биологического материала – мазков-состкобов из цервикального канала и поверхности шейки матки. Полученный соскобный материал подвергался исследованию и количественному определению наличия ДНК возбудителей урогенитальных инфекций с помощью метода ПЦР с гибридизационно-флуоресцентной детекцией в режиме «реального времени».

Цель данной работы – установить распространенность вируса папилломы человека высокого канцерогенного риска, определить его вирусную нагрузку и частоту микст инфицирования у женщин с фоновыми и предраковыми заболеваниями урогенитального тракта.

В результате проведенного исследования установлено, что ДНК вируса папилломы человека высокого канцерогенного риска обнаруживалась у 25 (40,98 %) из 61 обследованной женщины с фоновыми и предраковыми заболеваниями урогенитального тракта. При этом наибольший процент выявления отмечался у пациенток с фоновыми нарушениями при эрозии шейки матки (76,47 %), а у женщин с предраковыми заболеваниями – при дисплазии (75,00 %). Молекулярно-генетические исследования показали доминирование α9 филогенетической группы вируса. Отмечена высокая частота встречаемости вируса папилломы человека высокого канцерогенного риска как в виде моноинфекции, так и в ассоциации с другими патогенами урогенитального тракта. Преобладающей микст инфекцией являлась папилломавирусно-герпетическая инфекция.

Для эффективного ведения пациенток с различными воспалительными заболеваниями урогенитального тракта и профилактики рака шейки матки важно не только качественное обнаружение ДНК вирусов папилломы человека высокого канцерогенного риска, определение вирусной нагрузки, но и диагностика других возбудителей инфекций, передающихся половым путем.

**МІНІСТЭРСТВА АДУКАЦЫІ РЭСПУБЛІКІ БЕЛАРУСЬ
БЕЛАРУСКІ ДЗЯРЖАЎНЫ ЎНІВЕРСІТЭТ
БІЯЛАГЧНЫ ФАКУЛЬТЭТ
Кафедра мікрабіялогії**

НАСЫР
Вераніка

**ЗНАЧЭННЕ ВІРУСА ПАПІЛОМЫ ЧАЛАВЕКА ВЫСОКАЙ
КАНЦЭРАГЕННАЙ РЫЗЫКІ Ў ЖАНЧЫН З ЗАПАЛЕНЧЫМІ
ЗАХВОРВАННЯМІ ШЫЙКІ МАТКІ**

Анатацыя да
дыпломнай працы

Навуковы кіраўнік:
кандыдат біялагічных навук,
Л.В. Рубанік

Мінск, 2018

АНАТАЦЫЯ

Аб'екты даследавання: вірусы папіломы чалавека высокай канцерагеннай рызыкі, вірусы сямейства *Herpesviridae*, бактэріі сямейства *Mycoplasmataceae*, *Trichomonas vaginalis*, *Chlamydia trachomatis*, выдзеленая з узораў біялагічнага матэрыялу – мазкоў-саскрэбаў з цервікальнага каналу і паверхні шыйкі маткі. Атрыманы саскрэбы матэрыял быў падвержаны даследаванню і колькаснаму вызначэнню наяўнасці ДНК узбуджальнікаў урагенітальных інфекцый з дапамогай метаду ПЛР з гібрывызацыйна-флуарэсцэнтнай дэтэкцыяй у рэжыме «рэальнага часу».

Мэта дадзенай працы – усталяваць распаўсюджанасць віруса папіломы чалавека высокай канцерагеннай рызыкі, вызначыць яго вірусную нагрузкку і частату мікст інфікавання ў жанчын з фонавымі і перадракавымі захворваннямі ўрагенітальнага тракту.

У выніку праведзенага даследавання ўстаноўлена, што ДНК віруса папіломы чалавека высокай канцерагеннай рызыкі выяўлялася даволічаста, у 25 (40,98 %) узорах з 61 абследованай жанчыны з фонавымі і перадракавымі захворваннямі ўрагенітальнага тракту. Пры гэтым найбольшы працэнт выяўлення адзначаўся ў пацыентак з фонавымі парушэннямі пры эрозіі шыйкі маткі (76,47 %), а ў жанчын з перадракавымі захворваннямі – пры дісплазіі (75,00 %). Малекулярна-генетычныя даследаванні паказалі дамінаванне α9 філагенетычнай групы віруса. Адзначана больш высокая частата сустракаемасці віруса папіломы чалавека высокай канцерагеннай рызыкі як у выглядзе монаінфекцыі, так і ў асацыяцыі з іншымі патагенамі ўрагенітальнага тракту. Пераважнай мікст інфекцыяй з'яўлялася папілломавірусна-герпетычная інфекцыя.

Для эфектыўнага вядзення пацыентак з рознымі запаленчымі захвораннямі ўрагенітальнага тракту і прафілактыкі рака шыйкі маткі важна не толькі якаснае выяўленне ДНК вірусаў папіломы чалавека высокай канцерагеннай рызыкі, вызначэнне віруснай нагрузкі, але і дыягностика іншых узбуджальнікаў інфекций, якія перадаюцца палавым шляхам.

THE MINISTRY OF EDUCATION OF THE REPUBLIC OF BELARUS
BELARUSIAN STATE UNIVERSITY
BIOLOGICAL FACULTY
Department of Microbiology

NASYR
Veronika

**SIGNIFICANCE OF HUMAN PAPILLOMAVIRUS OF HIGH
CARCINOGENIC RISK AMONG WOMEN WITH INFLAMMATORY
DISEASES OF THE CERVIX**

Annotation for
diploma work

Scientific supervisor:
candidate of biological sciences,
L.V. Rubanik

Minsk, 2018

ANNOTATION

Subjects of the study: human papillomaviruses of high carcinogenic risk, viruses of the *Herpesviridae* family, bacteria of the *Mycoplasmataceae* family, *Trichomonas vaginalis*, *Chlamydia trachomatis* which were isolated from samples of biological material – smears from the cervical canal and the cervical surface. The obtained scraping material was subjected to the investigation and quantitative determination of the urogenital pathogens DNA presence using the PCR method with hybridization-fluorescent detection in the "real time" mode.

The purpose of this work is to establish the prevalence of human papillomavirus of high carcinogenic risk, to determine its viral load and frequency of mixed infection among women with background and precancerous diseases of the urogenital tract.

The study found that DNA of human papillomavirus of high carcinogenic risk was detected quite often, in 25 (40,98 %) samples of 61 women with background and precancerous diseases of the urogenital tract. The highest detection rate was observed among patients with background disorders in cervical erosion (76,47 %), and among women with precancerous diseases with dysplasia (75,00 %). Molecular genetic studies showed a predominance of the α9 phylogenetic group of the virus. There was a high incidence of human papillomavirus of high carcinogenic both in the form of a monoinfection and in association with other urogenital pathogens. The predominant mixed infection was papillomavirus-herpetic infection.

It is important not only to detect the presence of the human papillomavirus DNA and to determine the viral load, but also to diagnose other pathogens of sexually transmitted infections for effective management of patients with various inflammatory diseases of the urogenital tract, and to prevention of cervical cancer too.